

**ПРОГРАММА ВСТУПИТЕЛЬНОГО ИСПЫТАНИЯ
ПО КОНКУРСНОЙ ГРУППЕ «ИНБИКСТ БИОЛОГИЧЕСКИЕ НАУКИ»
ДЛЯ ПОСТУПАЮЩИХ В АСПИРАНТУРУ**

На вступительном испытании будут заданы вопросы по выпускной квалификационной работе и вопросы из раздела, соответствующего направлению будущей научно-исследовательской деятельности поступающего.

Вопросы по выпускной квалификационной работе (магистратура или специалитет)

1. Основные положения.
2. Новизна.
3. Актуальность.

Раздел «Молекулярная биология»

Математическая биология. Биоинформатика.

1. Байесовский подход к оцениванию параметров. Непараметрические критерии.
2. Алгоритмы для строк. Конечные автоматы, суффиксное дерево и суффиксный массив, регулярные выражения.
3. Аннотация геномов. Предсказание генов. Функциональная аннотация. Использование сходства. Сравнительный анализ геномов.
4. Методы анализа транскриптомов. Тканевая специфичность транскриптомов. Анализ сплайсинга. Приложения к исследованию заболеваний и диагностике.
5. Системная биология. Построение и анализ регуляторных сетей. Роль системной биологии в поиске мишеней для лекарственных средств.
6. Закономерности наследования при моногибридном скрещивании, открытые Г. Менделем. Аллели и их взаимодействия.
7. Закон независимого наследования генов. Особенности наследования количественных признаков (полигенное наследование). Сцепленное наследование и кроссинговер.
8. Модельные организмы, используемые для изучения структуры и функций геномов. Картирование генов и геномов. Полиморфизм геномов.
9. Выравнивание сходства и гомология. Алгоритмы динамического программирования. Методы быстрого поиска сходства BLAST, FASTA. Статистическая значимость выравнивания. Скрытые Марковские модели для множественного выравнивания.

Молекулярная биология. Биохимия.

10. Аминокислоты. Строение основных аминокислот - компонентов белков и пептидов. Стереохимия аминокислот. Пептиды. Биологическая роль. Типы пептидов. Пептидная связь, ее электронное строение и конфигурация. Основные элементы пространственной структуры пептидов. Понятие о конформационных картах. Типы взаимодействий, определяющие укладку полипептидной цепи в пространстве.
11. Белки. Биологическая роль. Выделение, физико-химические свойства, классификация. Структурные элементы. Понятие вторичной, третичной и четвертичной структуры. Регулярные структуры полипептидной цепи. Пространственная структура белков. Модели фибриллярных и глобулярных белков.
12. Нуклеиновые кислоты. Биологическая роль. Роль ДНК в биосинтезе белка. Понятие о триплетном коде. Структурные элементы нуклеиновых кислот. Двухспиральная структура нуклеиновых кислот. Модель Уотсона-Крика. Вторичная структура ДНК. Конформационные особенности РНК. Особенности пространственной организации нуклеиновых кислот. Взаимодействие нуклеиновых кислот с белками.

13. Динамическая структура глобулярных белков; конформационная подвижность. Типы движения в белках. Роль воды в динамике белков. Роль конформационной подвижности в функционировании ферментов и транспортных белков.
14. Низкомолекулярные природные соединения. Стероиды, липиды, углеводы, низкомолекулярные биорегуляторы. Классификация и свойства.
15. Стереохимия органических молекул. Оптическая изомерия, асимметрия органических молекул, понятие о хиральности. Вращение вокруг валентных связей, барьеры внутреннего вращения, понятие о конформации и конфигурации молекул. Стерические карты. Приближение твердых сфер. Потенциал Леонарда - Джонса.
16. ДНК – носитель генетической информации. Строение двойной спирали ДНК. Гены и геномы. Современные методы глубокого секвенирования ДНК.
17. Упаковка ДНК в ядре. Гистоны и гены гистонов. Негистоновые белки. Нуклеосомы. Уровни организации хроматина. Регуляторные белки хроматина. Структура активного хроматина. Гистоновый код.
18. Репликация ДНК. Инициация репликации, репликационная вилка. Особенности процесса репликации на различных цепях ДНК. Типы и функции ДНК полимераз у эукариот. Ферменты и белки, участвующие в репликации. Исправление ошибок.
19. Основные типы повреждений ДНК. Основные принципы различных реакций репарации. Процессы репарации и многофункциональные белковые комплексы, участвующие в репарации ДНК. Роль процессов репарации в эволюции жизни на Земле.
20. Роль рекомбинации ДНК в жизни клетки. Гомологическая (общая), сайт-специфическая и нехомологичная («незаконная») рекомбинация. Транспозоны. Гены иммуноглобулинов и Т-клеточных рецепторов. Современные методы редактирования генома.
21. Транскрипция. Понятие оперона. Интроны и экзоны. Цис-элементы, регулирующие транскрипцию. Факторы транскрипции, их классификация. Медиаторный комплекс. Транскрипционные программы дифференцировки клеток, «коктейль Яманаки».
22. Механизмы регуляции транскрипции. Инициация, элонгация и терминация транскрипции. Современные представления о механизмах сплайсинга. Некодирующие РНК. Процессинг РНК. Модификация концевых областей мРНК – кэпирование, полиаденилирование. Редактирование РНК. Обратная транскрипция.
23. Генетический код. Особенности механизмов трансляции у прокариот и эукариот. Современные представления об устройстве рибосомы. Механизмы регуляции трансляции. Пост-трансляционные модификации белков.
24. Жизненный цикл клетки. Митотический цикл, митоз, апоптоз, некроз. Молекулярные механизмы регуляции клеточного цикла. Контрольные точки клеточного цикла. Гены-супрессоры опухолевого роста. Механизмы действия цитостатиков.
25. Ретровирусы. Организация генома, жизненный цикл и особенности репликации. Ретровирусные и лентивирусные векторы и их использование в молекулярной биологии и генной терапии. Современные представления о роли ретровирусов в эволюции.

Биофизика

26. Мембрана как универсальный компонент биологических систем. Структурная организация мембран. Липиды. Характеристика мембранных белков. Вода как составной элемент биомембран. Модельные мембранные системы. Монослойные мембраны на границе раздела фаз. Бислойные мембраны. Протеолипосомы.
27. Мембранные потенциалы. Уравнение Нернста. Доннатовское равновесие. Электродиффузионное уравнение Нернста-Планка. Ионный транспорт в биологических мембранах.

28. Флуоресцентная спектроскопия. Отличие флуоресценции от фосфоресценции. Взаимосвязь между эмиссионными спектрами, спектрами возбуждения и спектрами поглощения. Квантовый выход флуоресценции и время жизни возбужденного состояния. Процессы тушения флуоресценции. Поляризация флуоресценции, ее применение. Безызлучательный перенос энергии и оценка расстояния между хромофорными группами в природных соединениях. Применение флуоресценции для изучения структуры белка.
29. Бионанотехнология. Биологические сенсоры.
30. Нанотехнологические методы исследования биополимеров. Методы детектирования одиночных молекул.
31. Общие представления о генной инженерии, способы создания рекомбинантных ДНК и их введения в клетку. Применение генной инженерии в фундаментальных исследованиях в биотехнологии.
32. Системы экспрессии рекомбинантных белков. Методы выделения и очистки рекомбинантных белков.
33. Масс-спектрометрия. Область использования и границы применения метода масс-спектрометрии. Различные типы масс-спектральных приборов и области их применения. Способы ионизации молекул в масс-спектрометре, получение масс-спектра, его расшифровка, понятие о схеме фрагментации. Масс-спектрометрия в химии пептидов и белков. Основные типы фрагментации аминокислот и пептидов, Методы исследования пептидных смесей.
34. Ядерный магнитный резонанс. Магнитный момент ядра, резонансная частота, экранирование и химический сдвиг. Магнитная релаксация - спин-решеточная релаксация и ширина линии. Спектрометры ЯМР, требования к образцу. Химический сдвиг и спин-спиновое взаимодействие, их применение в структурных исследованиях. Обменные процессы. Спектроскопия ядерного эффекта Оверхаузера. Возможность и границы применения спектроскопии ЯМР.
35. Спектроскопия электронного парамагнитного резонанса. Физическая сущность явления. Основные параметры - g-фактор, сверхтонкое взаимодействие. Метод спиновой метки в биологии.
36. Рентгеноструктурный анализ. Требования, предъявляемые к эксперименту. Получение и выбор кристаллов. Дифракция рентгеновских лучей на кристаллической решетке. Условия Вульфа-Брэгга. Физические основы метода. Преобразования Фурье. Фазовая проблема. Измерения интенсивности: фотографический и дифрактометрический методы.
37. Понятие математической модели. Задачи и возможности математического моделирования в биологии. Понятие адекватности модели реальному объекту. Принципы построения математических моделей биологических систем.
38. Строение сердечно-сосудистой системы. Принципы оптимальности в организации ветвящихся систем. Классификация сосудов. Физические законы движения крови. Закон Пуазейля. Скорость и напряжение сдвига. Артериальное давление. Центральная регуляция артериального давления. Барорецепторы синокаротидных и кардиоаортальной зон. Сосудодвигательный центр. Распределение напряжений в нагруженной сосудистой стенке. Закон Лапласа.
39. Регуляция кровообращения при изменениях уровня активности. Миогенная реакция Бейлисса. Распределение кровотока между различными органами в покое и при максимальной активности. Метаболическая теория рабочей гиперемии. Оборонительная реакция. Роль эндотелия в регуляции органного кровотока. Механочувствительность эндотелия. Эндотелиальный гликокаликс.
40. Строение и функция сердца. Проводящая система сердца. Ревербераторы. Реакция Белоусова-Жаботинского. Активные свойства сердца: сократимость, возбудимость,

- проводимость, рефрактерность. Гетеро- и гомеометрическая регуляция насосной функции сердца. Закон Франка-Старлинга.
41. Статика и динамика системы дыхания. Методы исследования механики дыхания. Сопротивление дыхательных путей. Распределение напряжений, деформаций, вентиляции, кровотока в легких. Газообмен в легких. Легочные шунты. Дыхательная функция крови. Эффект Бора и его физиологическое значение.
 42. Математическое моделирование сосудистой системы. Модели с сосредоточенными и распределенными параметрами. Гидравлический импеданс сосудистой сети. Реологические свойства мягких биологических тканей. Релаксация напряжений, ползучесть, гистерезис, анизотропия.
 43. Нейрон. Общие сведения об его структуре и функциях. Составные части нейрона: сома, аксон, дендриты, пресинаптическое окончание. Типы нейронов. Синаптическая передача. Химические и электрические синапсы.
 44. Молекулярные механизмы мышечного сокращения. Основные сократительные белки – актин и миозин. Теория скользящих нитей. Кальциевая регуляция сокращения поперечно-полосатой мышцы, тропонин и тропомиозин.
 45. Базовые модели математической биофизики. Модели Лотки-Вольтерра, Фитц-Хью-Нагумо, феноменологическая модель свертывания крови. Эстафетные механизмы передачи сигнала в распределенных возбудимых биологических системах. Уравнения Колмогорова-Петровского-Пискунова-Фишера и Зельдовича-Франк-Каменецкого.
 46. Автоколебательные явления в биологии и их математические модели. Необходимые условия для возникновения автоколебаний в далеких от равновесия системах. Примеры систем с запаздыванием. Методы качественного анализа стационарных состояний, исследование их устойчивости. Диссипативные структуры в реакционно-диффузионных системах. Неустойчивость А.Тьюринга. Понятие бифуркации. Построение бифуркационных диаграмм. Основные понятия теории катастроф.

Литература

1. Рубин А. Биофизика (в 3 томах). Институт компьютерных исследований, 2013.
2. Биофизика. Учебник. Под ред. В. Артюхова. Академический проект, 2012.
3. William Bialek. Biophysics: Searching for Principles. Princeton University Press, 2012.
4. Roland Glaser. Biophysics. Springer, 2010.
5. Нельсон Д., Кокс М. Основы биохимии Ленинджера (в 3 томах). Бином. Лаборатория Знаний, 2014.
6. Льюин Б. Гены. Москва, Бином. Лаборатория знаний. 2011
7. Молекулярная биология. Структура и биосинтез нуклеиновых кислот // Под ред. А.С. Спирина. М.: Высш. шк. 1990
8. Л.И. Патрушев. Искусственные генетические системы. Том1. Генная и белковая инженерия. Москва, «Наука», 2004 г., 526 стр.
9. Gene Therapy Technologies, Applications and Regulations. Ed. Anthony Meager. 1999 John Wiley & Sons, Ltd., 401 стр.
10. Лебедев А.Т. Масс-спектрометрия в органической химии. Москва. 2003 год
11. Mass spectrometry basics. Eds. C.G.Herbert, R.A.W. Johnstone. 2003 CRC Press.
12. Альбертс Б., Брей Д., Льюис Дж., «Молекулярная биология клетки» в 3 т., Москва, Мир, 1994.
13. Ченцов Ю.С., «Введение в клеточную биологию», Москва, «Академика», 2004.
14. Mount D.W. “Bioinformatics. Sequence and Genome Analysis:” Cols Spring Harbor Laboratory Press. 2001.
15. Дурбин Р., Эдди Ш., Крот А., Митчисон Г. «Анализ биологических последовательностей». Институт компьютерных исследований. R&C Dynamics. Москва. Ижевск. 2006.

15. Pop M., Shotgun Sequence Assembly, Advanced in Computers. 60 (2004), 193-248.
16. Р.С. Орлов, А.Д. Ноздрачев Нормальная физиология. М., ГЭОТАР-Медиа, 2005.
17. Физиология человека (под редакцией Р.Шмидта и Г.Тевса). М., Мир, 1986, 1998.
18. И.Герман Физика организма человека. М., «Интеллект», 2010
19. А.М. Мелькумянц, С.А.Балашов Механочувствительность артериального эндотелия. М., 2005.
20. К.Каро, Т. Шротер, Р. Педли, У.Сид. Механика кровообращения. М., Мир, 1980.
21. Каро К., Т. Педли, З. Шротер, У. Сид. Механика кровообращения // М., Мир, 1981, 624 с.
22. Уэст Дж. Физиология дыхания. Основы. // М., Мир, 1988, 200 с.
23. Бегун П.И., Шукейло Ю.А. Биомеханика: Учебник для вузов. – СПб.: Политехника, 2000 – 463 с.
24. Парашин В.Б., Иткин Г.П. Биомеханика кровообращения // М.: МГТУ, 2005.
25. Регирер С.А. Лекции по биологической механике // М., МГУ, 1980, 144 с.
26. Шмидт-Ниельсен. Физиология животных. Приспособление и среда // Т. 1, 2. М., Мир, 1982, 800 с.
27. И. Герман. Физика организма человека. // Перевод с английского под редакцией А.М. Мелькумянца и С.В. Ревенко, Долгопрудный: Интеллект, 2011, 994 с.
28. M. Abdolrazaghi, • M. Navidbakhsh, Kamran Hassani Mathematical Modelling and Electrical Analog Equivalent of the Human Cardiovascular System // Cardiovasc Eng (2010) 10:45–51,
29. U. Bitzén, L. Niklason, I. Göransson, B. Jonson Measurement and mathematical modelling of elastic and resistive lung mechanical properties studied at sinusoidal expiratory flow // Clin Physiol Funct Imaging (2010) 30, pp439–446
30. L. Waite, J. Fine. Applied biofluid mechanics New York et al: The McGraw-Hill Companies, 2007, 314 p.